



On the Job Training 『全ゲノムシーケンスを含むゲノムデータ解析研修』

日 時

2024年3月11日(月) 13:00~16:00

場 所

鳥取大学 研究推進機構 研究基盤センター セミナー室
※講義のみハイブリッド開催（講義のみ参加の場合、単位付与はありません）

参加申込
URL

2024年3月5日(火) 17時までにお申し込みください
<https://forms.gle/aKMz2pVyNBA5NWrT7>



講 義

- 13:00~13:45 **網羅的遺伝子解析**
栗野 宏之（鳥取大学 研究推進機構 研究基盤センター 教授
医学部附属病院遺伝子診療科 科長）
- 13:45~14:25 **全ゲノムシーケンスの結果解釈について**
足立 香織（鳥取大学 研究推進機構 研究基盤センター 准教授）

ハンズオンセミナー

- 14:35~15:35 **全ゲノムシーケンス結果解釈**
甲斐 政親（鳥取大学 技術部）
野中 智生（鳥取大学 医学部附属病院 遺伝子診療科）
- 15:35~16:00 **総括**

ゲノム情報は、遺伝性疾患の同定、がんの進行を促進する変化の特性の解明、疾患の感染拡大状況の追跡など、様々な医療の場面で役に立っています。パワフルなシーケンサーによる大量のデータ作成と処理能力の向上、シーケンスコストの低下などにより、全ゲノムシーケンスを含む網羅的遺伝子解析は、ゲノム情報の活用になくてはならない強力なツールです。

本セミナーでは、網羅的遺伝子解析の理解の向上を目的として、講義とハンズオンセミナーを行います。特に、生殖細胞系列のバリエーションにフォーカスした解析結果の評価について学びます。